



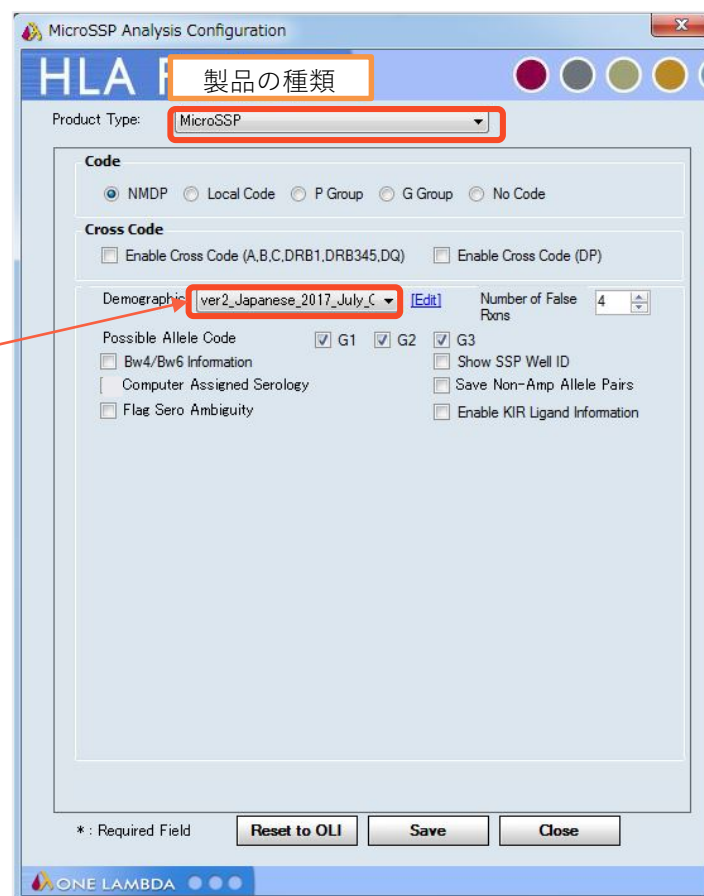
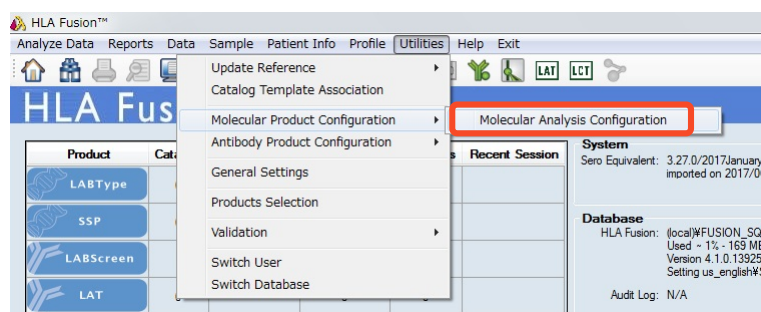
マイクロSSPの解析

株式会社ベリタス

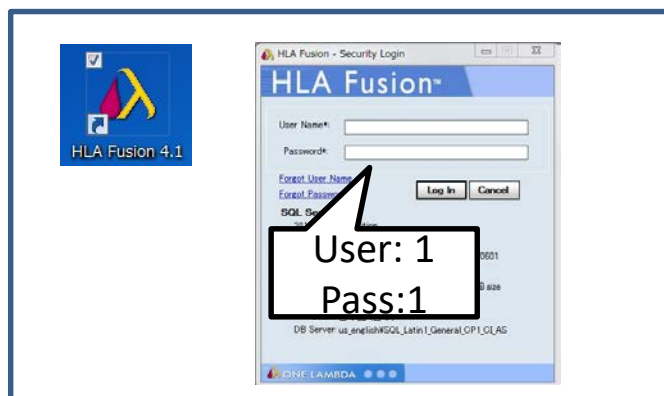
日本人フィルタの設定

以下の手順で設定します

Utilities > Molecular Product Configuration > Molecular Analysis Configuration

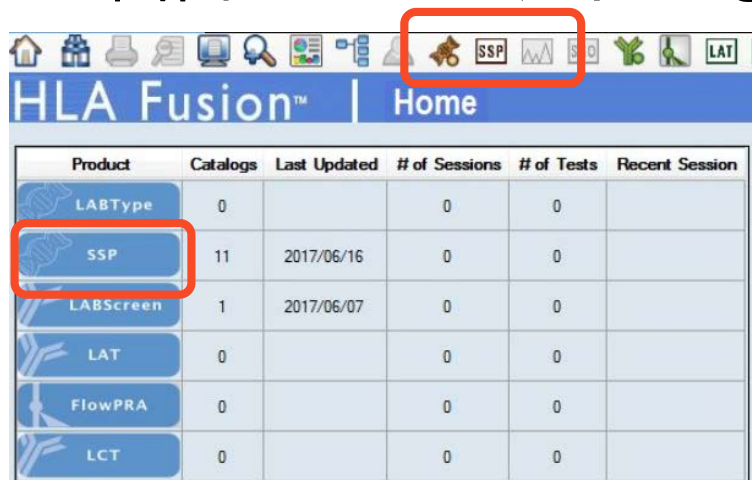


フィルター名 : verXX_Japanese_20XX

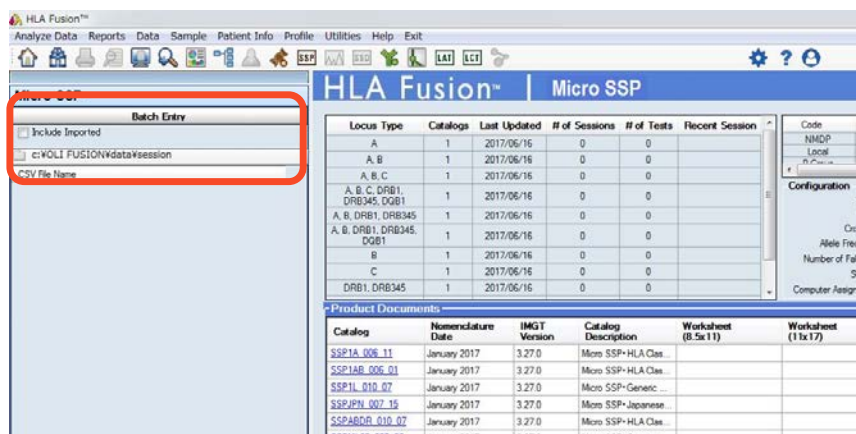


マイクロSSPの解析

- TOP画面からSSPのアイコンをクリックします

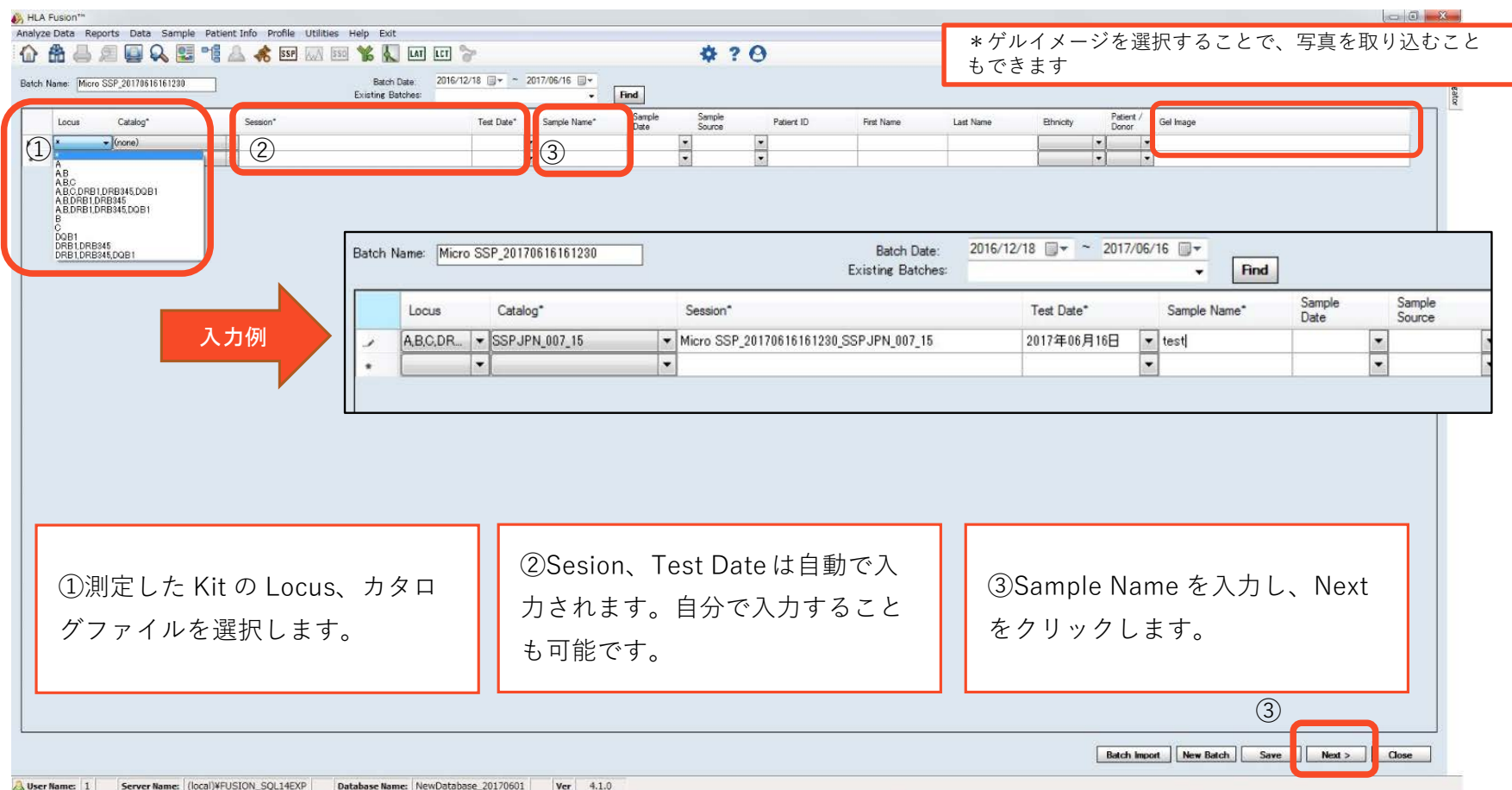


- 画面左上の「Batch Entry」のボタンをクリックします。



マイクロSSPの解析

以下の項目(*がついている箇所)を入力します。



*ゲルイメージを選択することで、写真を取り込むこともできます

①

②

③

入力例

Locus	Catalog*	Session*	Test Date*	Sample Name*	Sample Date	Sample Source
A,B,C,DR...	SSPJPN_007_15	Micro SSP_20170616161230_SSPJPN_007_15	2017年06月16日	test		

①測定した Kit の Locus、カタログファイルを選択します。

②Session、Test Date は自動で入力されます。自分で入力することも可能です。

③Sample Name を入力し、Next をクリックします。

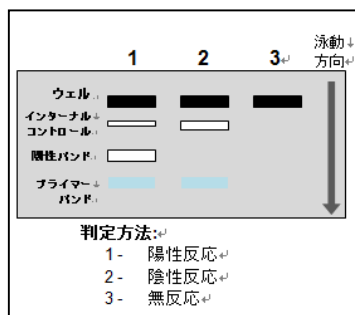
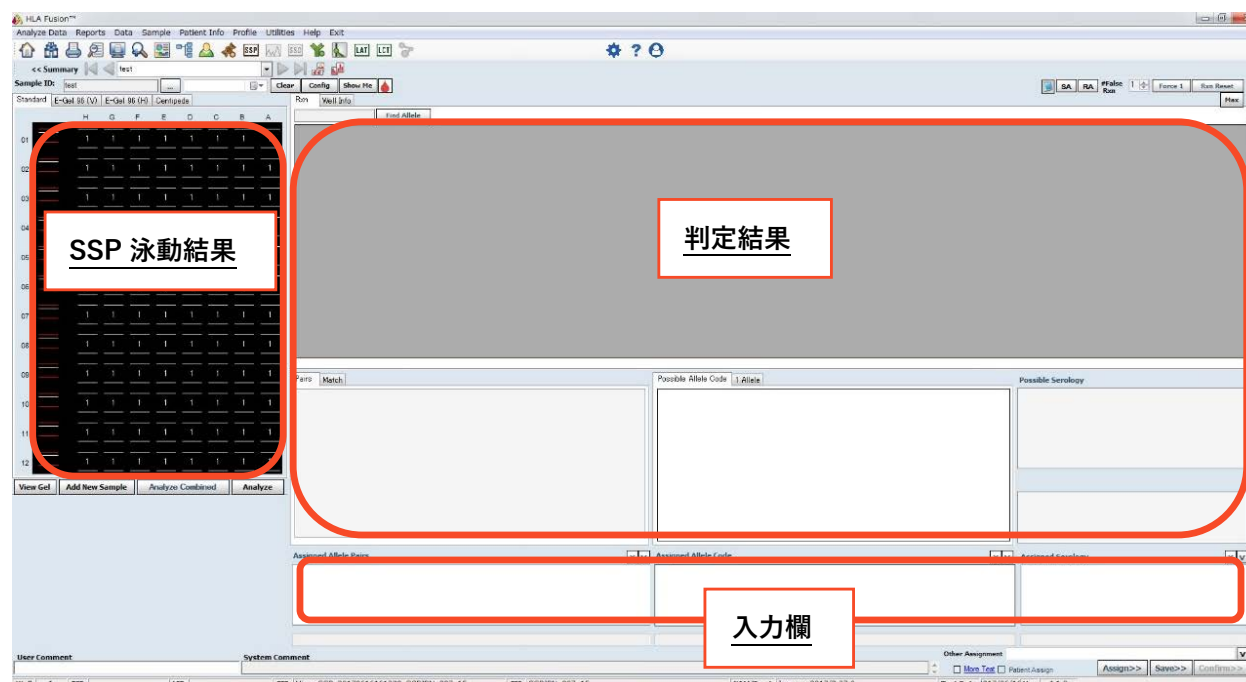
③

Batch Import New Batch Save Next > Close

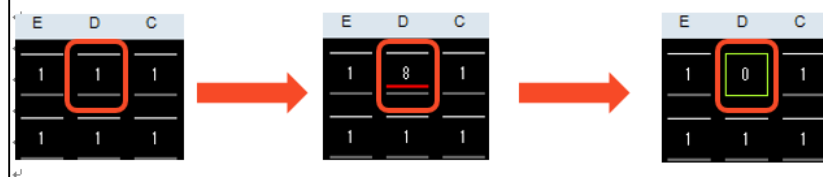
User Name: 1 Server Name: (local)\#FUSION_SQL14EXP Database Name: NewDatabase_20170601 Ver: 4.1.0

マイクロSSPの解析

解析画面に移行し、泳動結果を入力します。

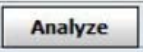


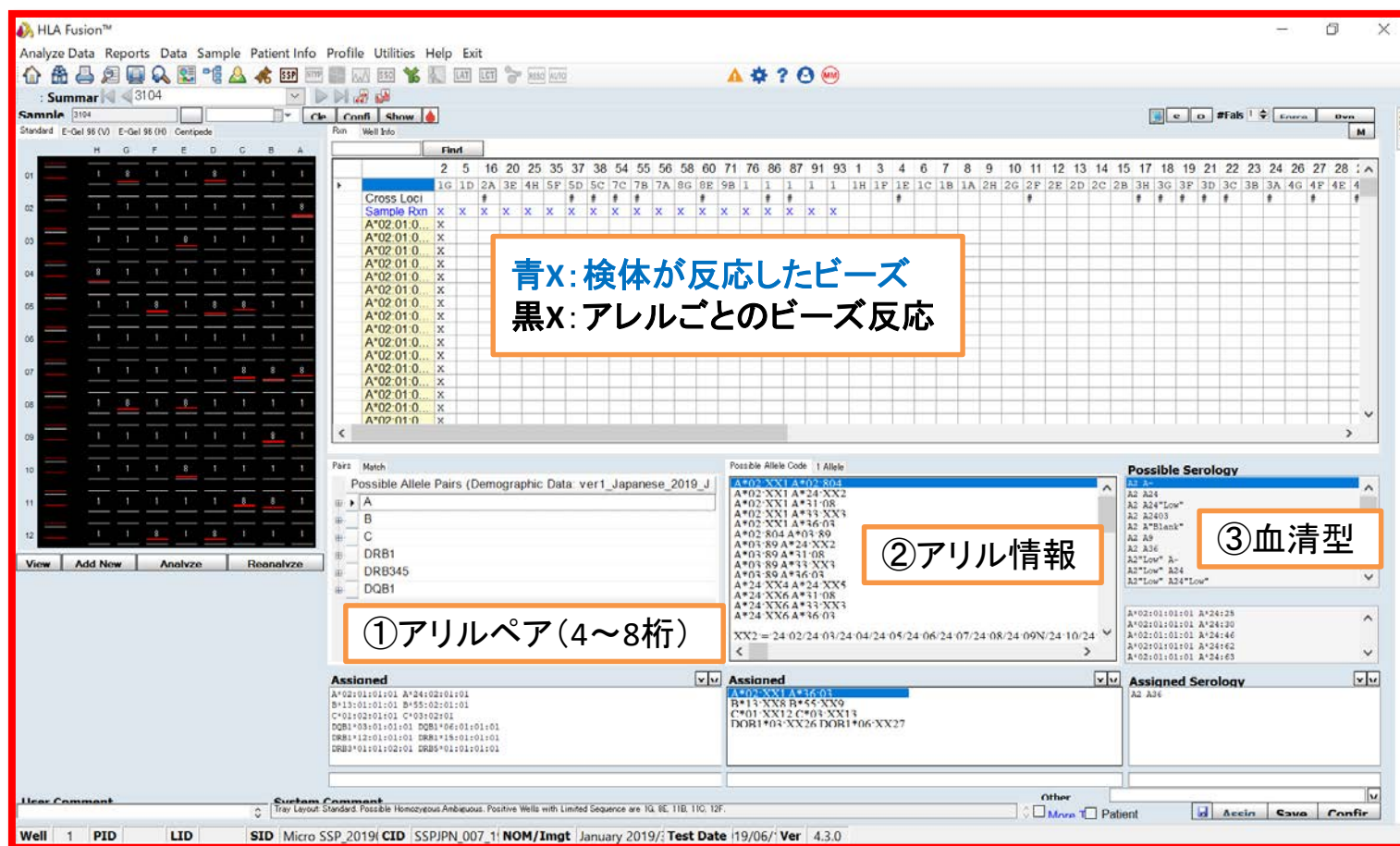
ウェルにカーソルを合わせてクリックすると判定結果が入力できます。



8: 陽性
1: 陰性
0: 判定不可

マイクロSSPの解析

バンドパターンを入力し、 をクリックすると解析結果が表示されます。



The screenshot displays the HLA Fusion software interface. The main window shows a gel image on the left and a table of results on the right. The table has columns for loci (A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQB1) and rows for sample results. The results are color-coded: blue 'X' for positive reactions and black 'X' for negative reactions.

① アリルペア (4~8桁)

② アリル情報

③ 血清型

青X: 検体が反応したビーズ
黒X: アレルごとのビーズ反応

Fusionの機能

- Well 情報の確認

- 黒枠内、各ウェルにカーソルを合わせるとWell情報、Base Pairサイズの確認ができます



- Well Infoをクリックし、確認するウェルを選択



Fusionの機能

- アレル検索

例) B*54:04を調べる場合...



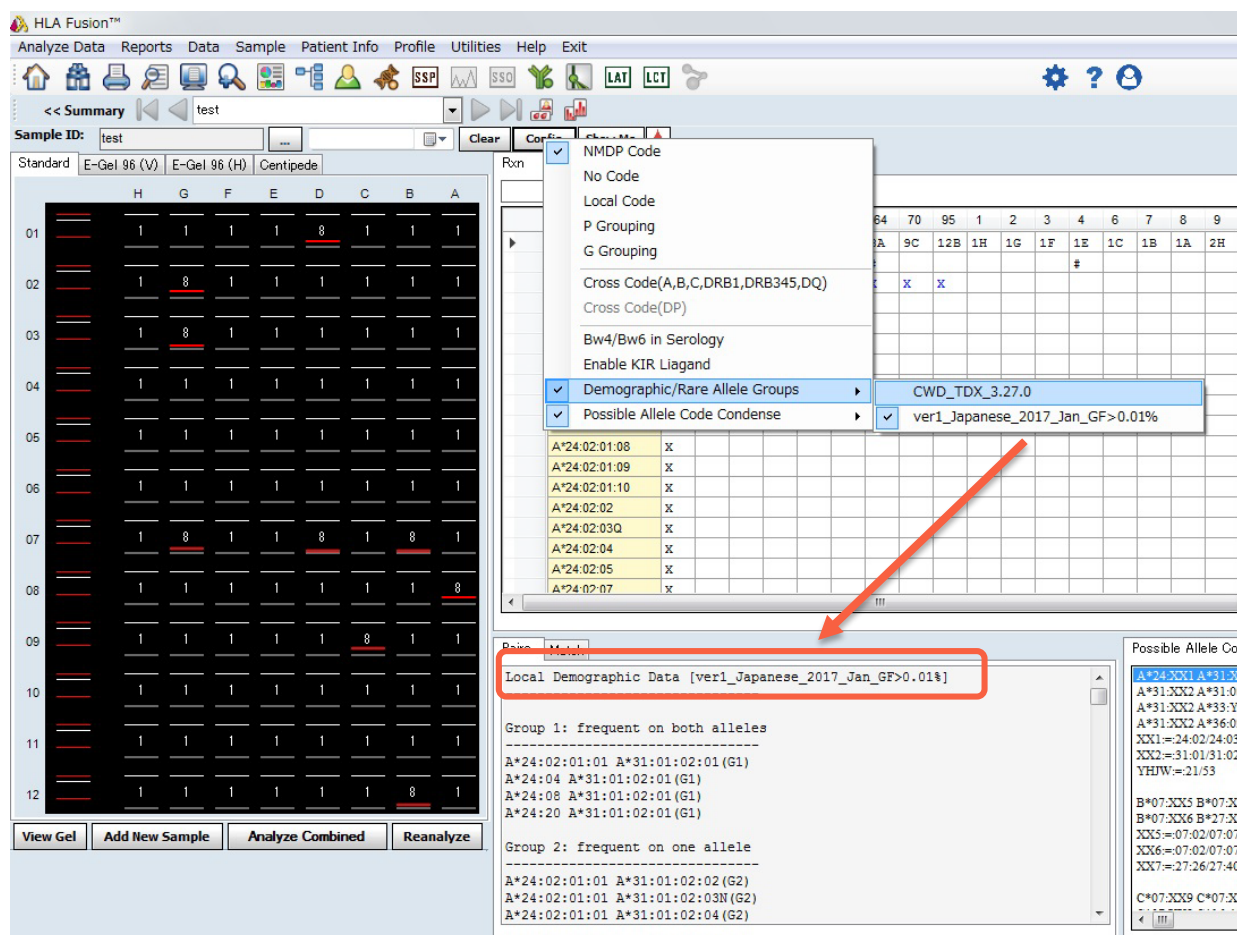
	2	5	16	22	31	32	33	36	37	38	54	56	64	67	74	78	83	88	91	94	1	3	4
	1G	1D	2A	3C	4B	4A	5H	5E	5D	5C	7C	7A	8A	9F	10G	10C	11F	11A	12F	12C	1H	1F	1E
Cross Loci			#	#		#	#	#	#	#	#		#	#		#							#
Sample Rxn	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X	X			
B*54:04			X					X	X	X													
B*54:01:01			X					X	X	X													
B*54:01:02			X					X	X	X													
B*54:01:03			X					X	X	X													
B*54:01:04			X					X	X	X													
B*54:01:05			X					X	X	X													
B*54:01:06			X					X	X	X													
B*54:01:07			X					X		X													
B*54:07			X					X	X	X													
B*54:08N			X																				
B*54:10			X																				
B*54:11			X																				
B*54:12			X																				
B*54:13			X																				
B*54:15			X																				

青X: 検体が反応したビーズ
黒X: アレルごとのビーズ反応

1Gのみが反応していると、A*02:10、A*02:101:01... (略)となる

Fusionの機能

- フィルターの切り替え
 - Configから変更可能です。



The screenshot displays the HLA Fusion software interface. The main window shows a table with columns labeled H, G, F, E, D, C, B, A and rows numbered 01 to 12. The table contains numerical data, with some cells highlighted in red. A context menu is open over the table, showing various options including 'Demographic/Rare Allele Groups' and 'Possible Allele Code Condense'. A red arrow points from the 'Possible Allele Code Condense' option to the 'Local Demographic Data [ver1_Japanese_2017_Jan_GF>0.01%]' section in the bottom right panel. This section lists two groups of alleles: Group 1 (frequent on both alleles) and Group 2 (frequent on one allele).

HLA Fusion™

Analyze Data Reports Data Sample Patient Info Profile Utilities Help Exit

Sample ID: test

Standard E-Gel 96 (V) E-Gel 96 (H) Centipede

H G F E D C B A

01 1 1 1 1 8 1 1 1

02 1 8 1 1 1 1 1 1

03 1 8 1 1 1 1 1 1

04 1 1 1 1 1 1 1 1

05 1 1 1 1 1 1 1 1

06 1 1 1 1 1 1 1 1

07 1 8 1 1 8 1 8 1

08 1 1 1 1 1 1 1 8

09 1 1 1 1 1 8 1 1

10 1 1 1 1 1 1 1 1

11 1 1 1 1 1 1 1 1

12 1 1 1 1 1 8 1 1

View Gel Add New Sample Analyze Combined Reanalyze

Local Demographic Data [ver1_Japanese_2017_Jan_GF>0.01%]

Group 1: frequent on both alleles

A*24:02:01:01 A*31:01:02:01 (G1)
A*24:04 A*31:01:02:01 (G1)
A*24:08 A*31:01:02:01 (G1)
A*24:20 A*31:01:02:01 (G1)

Group 2: frequent on one allele


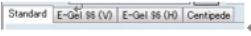


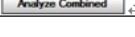


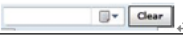







A*24:02:01:01 A*31:01:02:02 (G2)
A*24:02:01:01 A*31:01:02:03N (G2)
A*24:02:01:01 A*31:01:02:04 (G2)

Possible Allele Coc

A*24:02:01:01 A*31:01:02:01
A*31:01:02:01 A*31:01:02:02
A*31:01:02:01 A*31:01:02:03
A*31:01:02:01 A*31:01:02:04
A*31:01:02:01 A*31:01:02:05
A*31:01:02:01 A*31:01:02:06
A*31:01:02:01 A*31:01:02:07
A*31:01:02:01 A*31:01:02:08
A*31:01:02:01 A*31:01:02:09
A*31:01:02:01 A*31:01:02:10
A*31:01:02:01 A*31:01:02:11
A*31:01:02:01 A*31:01:02:12
A*31:01:02:01 A*31:01:02:13
A*31:01:02:01 A*31:01:02:14
A*31:01:02:01 A*31:01:02:15
A*31:01:02:01 A*31:01:02:16
A*31:01:02:01 A*31:01:02:17
A*31:01:02:01 A*31:01:02:18
A*31:01:02:01 A*31:01:02:19
A*31:01:02:01 A*31:01:02:20
A*31:01:02:01 A*31:01:02:21
A*31:01:02:01 A*31:01:02:22
A*31:01:02:01 A*31:01:02:23
A*31:01:02:01 A*31:01:02:24
A*31:01:02:01 A*31:01:02:25
A*31:01:02:01 A*31:01:02:26
A*31:01:02:01 A*31:01:02:27
A*31:01:02:01 A*31:01:02:28
A*31:01:02:01 A*31:01:02:29
A*31:01:02:01 A*31:01:02:30
A*31:01:02:01 A*31:01:02:31
A*31:01:02:01 A*31:01:02:32
A*31:01:02:01 A*31:01:02:33
A*31:01:02:01 A*31:01:02:34
A*31:01:02:01 A*31:01:02:35
A*31:01:02:01 A*31:01:02:36
A*31:01:02:01 A*31:01:02:37
A*31:01:02:01 A*31:01:02:38
A*31:01:02:01 A*31:01:02:39
A*31:01:02:01 A*31:01:02:40
A*31:01:02:01 A*31:01:02:41
A*31:01:02:01 A*31:01:02:42
A*31:01:02:01 A*31:01:02:43
A*31:01:02:01 A*31:01:02:44
A*31:01:02:01 A*31:01:02:45
A*31:01:02:01 A*31:01:02:46
A*31:01:02:01 A*31:01:02:47
A*31:01:02:01 A*31:01:02:48
A*31:01:02:01 A*31:01:02:49
A*31:01:02:01 A*31:01:02:50
A*31:01:02:01 A*31:01:02:51
A*31:01:02:01 A*31:01:02:52
A*31:01:02:01 A*31:01:02:53
A*31:01:02:01 A*31:01:02:54
A*31:01:02:01 A*31:01:02:55
A*31:01:02:01 A*31:01:02:56
A*31:01:02:01 A*31:01:02:57
A*31:01:02:01 A*31:01:02:58
A*31:01:02:01 A*31:01:02:59
A*31:01:02:01 A*31:01:02:60
A*31:01:02:01 A*31:01:02:61
A*31:01:02:01 A*31:01:02:62
A*31:01:02:01 A*31:01:02:63
A*31:01:02:01 A*31:01:02:64
A*31:01:02:01 A*31:01:02:65
A*31:01:02:01 A*31:01:02:66
A*31:01:02:01 A*31:01:02:67
A*31:01:02:01 A*31:01:02:68
A*31:01:02:01 A*31:01:02:69
A*31:01:02:01 A*31:01:02:70
A*31:01:02:01 A*31:01:02:71
A*31:01:02:01 A*31:01:02:72
A*31:01:02:01 A*31:01:02:73
A*31:01:02:01 A*31:01:02:74
A*31:01:02:01 A*31:01:02:75
A*31:01:02:01 A*31:01:02:76
A*31:01:02:01 A*31:01:02:77
A*31:01:02:01 A*31:01:02:78
A*31:01:02:01 A*31:01:02:79
A*31:01:02:01 A*31:01:02:80
A*31:01:02:01 A*31:01:02:81
A*31:01:02:01 A*31:01:02:82
A*31:01:02:01 A*31:01:02:83
A*31:01:02:01 A*31:01:02:84
A*31:01:02:01 A*31:01:02:85
A*31:01:02:01 A*31:01:02:86
A*31:01:02:01 A*31:01:02:87
A*31:01:02:01 A*31:01:02:88
A*31:01:02:01 A*31:01:02:89
A*31:01:02:01 A*31:01:02:90
A*31:01:02:01 A*31:01:02:91
A*31:01:02:01 A*31:01:02:92
A*31:01:02:01 A*31:01:02:93
A*31:01:02:01 A*31:01:02:94
A*31:01:02:01 A*31:01:02:95
A*31:01:02:01 A*31:01:02:96
A*31:01:02:01 A*31:01:02:97
A*31:01:02:01 A*31:01:02:98
A*31:01:02:01 A*31:01:02:99
A*31:01:02:01 A*31:01:02:100

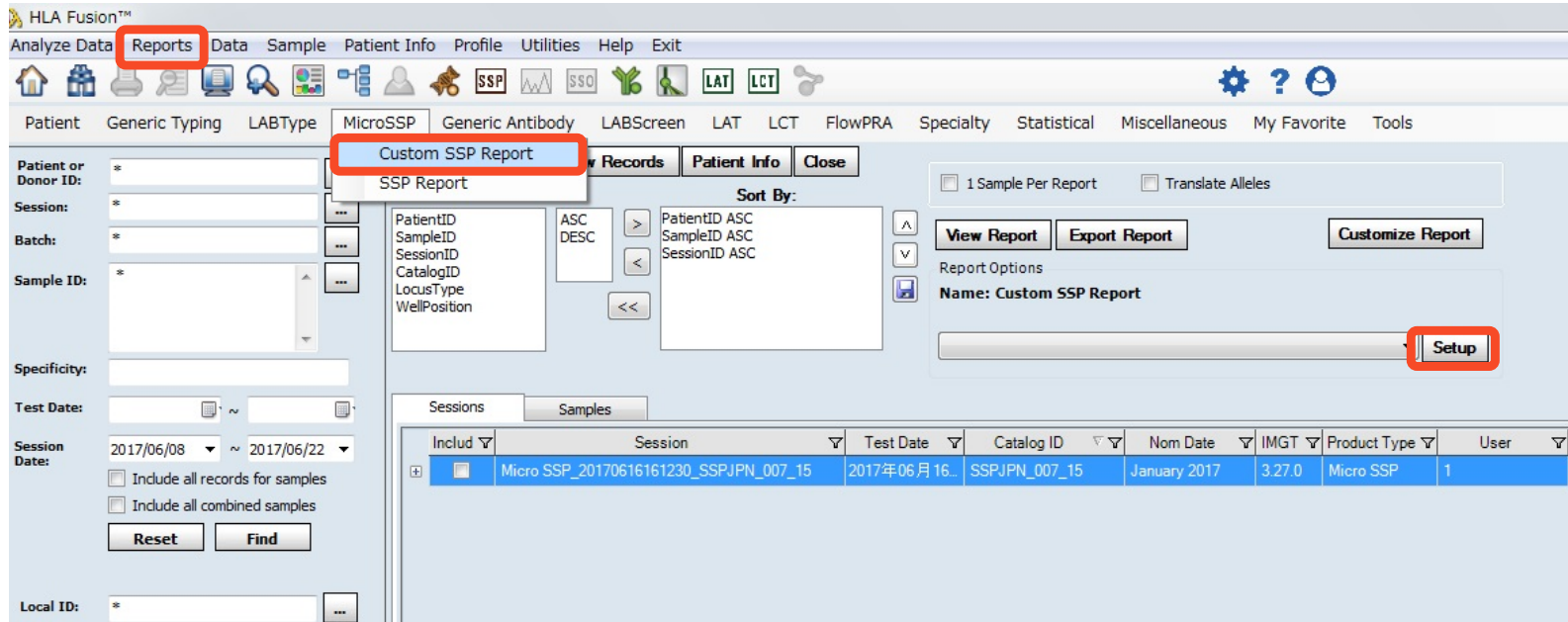
Fusionの機能

● 機能紹介(その他一覧)

操作ボタン	操作内容
	ID を元に関連データの検索をします。
	解析済みデータを並べて比較します。
	Sample 名が表示されています。検体が複数ある場合▶で検体の変更ができます。
	使用したゲルによって変更が可能です。通常は Standard をお使いください。
	ゲルイメージを取り込み済みの場合、イメージを参照します。
	新規作成
	同一 sampleID の検体で比較ができます。
	再解析します。  を押し 1 度解析した後はこの表記に変わります。
	日付の入力、クリアができます。
	Demographic/Rare-Allele-Group からフィルターの変更ができます。
	Pattern-Display-form を開きます。
	Sample-information を開きます。
	アリルとウェルの反応性を表示させます。
	Product-Notes を表示します。
	許容する False 反応の数を 1~4 で設定できます。
	Find-Allele の検索結果をリセットします。
	RXN, □Well-Info を一覧/縮小表示させます。

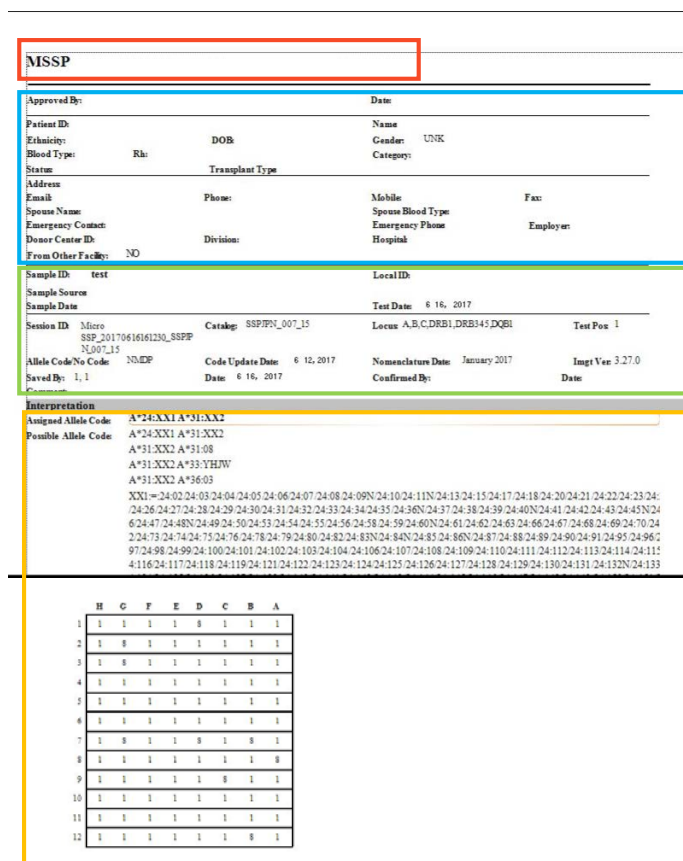
レポートの作製

- Report→MicroSSP→Custom SSP Reportをクリックします



レポートの作製

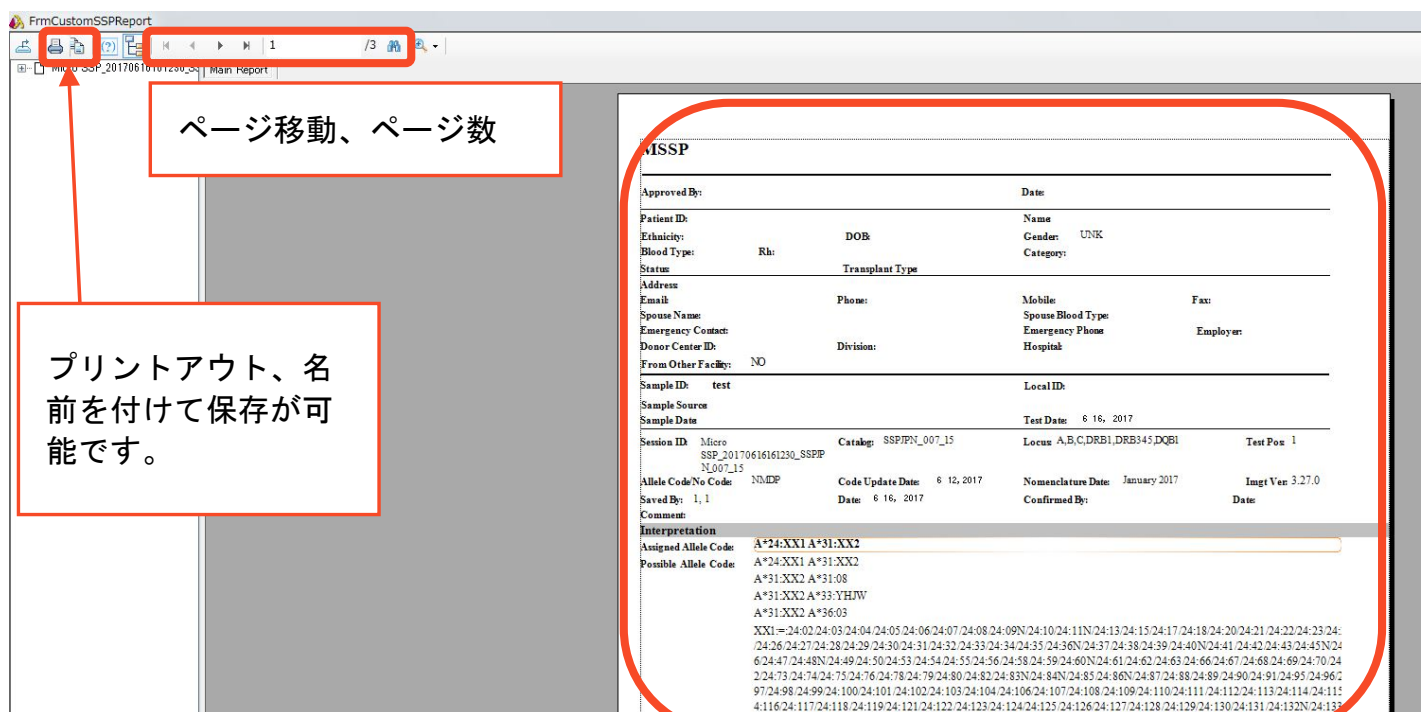
- Setupをクリックし、レポートの出力条件を設定します。

13

レポートの作製

- View Reportから、ファイルのエクスポートおよび印刷をすることができます。



ページ移動、ページ数

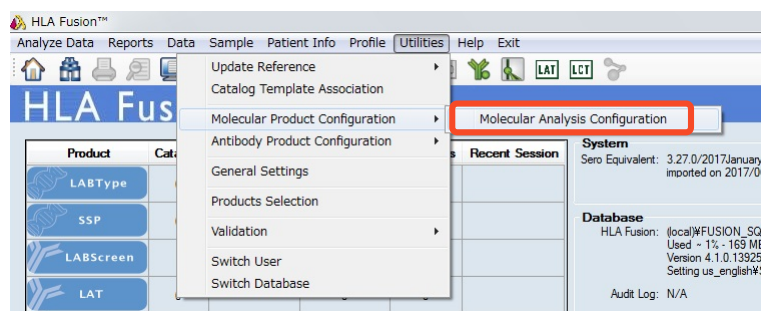
プリントアウト、名前を付けて保存が可能です。

2 で設定した項目が表示されます。

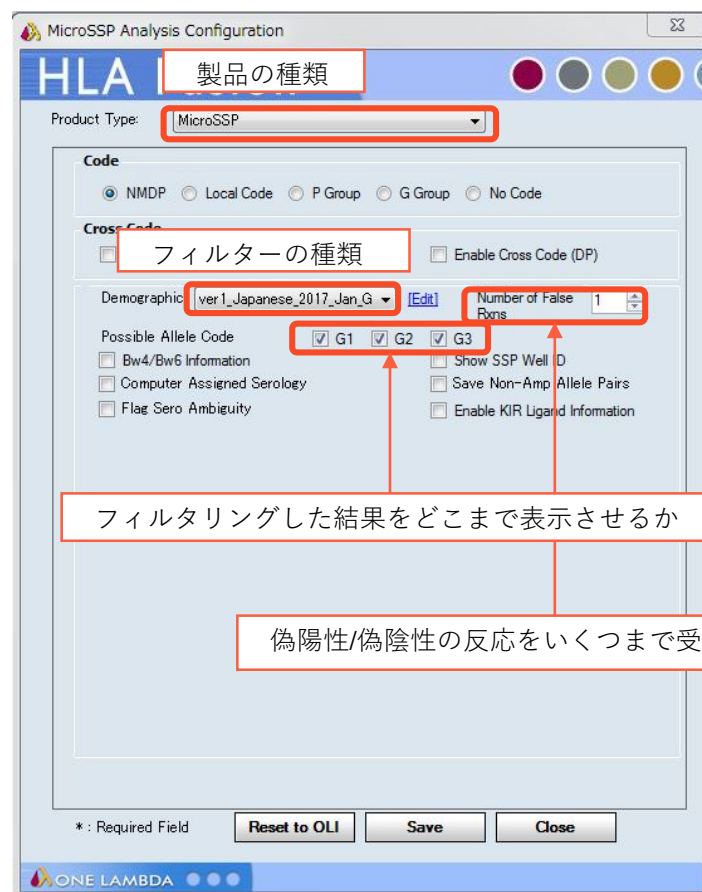
Fusionの操作方法 – マイクロSSP –

- 解析に用いる設定を変更できます。

Utilities > Molecular Product Configuration > Molecular Analysis Configuration



- フィルターの指定等で使います。



解析補足 マイクロSSP JPNで 検出可能な抗原型

A	B		C	DR	DQ
A1	B5	B49(21)	Cw1	DR1	DQ1
A2	B7	B50(21)	Cw2	DR103	DQ2
A203	B703	B51(5)	Cw3	DR2	DQ3
A210	B8	B5102	Cw4	DR3	DQ4
A3	B12	B5103	Cw5	DR4	DQ5(1)
A9	B13	B52(5)	Cw6	DR5	DQ6(1)
A10	B14	B53	Cw7	DR6	DQ7(3)
A11	B15	B54(22)	Cw8	DR7	DQ8(3)
A19	B16	B55(22)	Cw9(w3)	DR8	DQ9(3)
A23(9)	B17	B56(22)	Cw10(w3)	DR9	
A24(9)	B18	B57(17)	C*11	DR10	
A2403	B21	B58(17)	C*12	DR11(5)	
A25(10)	B22	B59	C*13	DR12(5)	
A26(10)	B27	B60(40)	C*14	DR13(6)	
A28	B2708	B61(40)	C*15	DR14(6)	
A29(19)	B35	B62(15)	C*16	DR1403	
A30(19)	B37	B63(15)	C*17	DR1404	
A31(19)	B38(16)	B64(14)	C*18	DR15(2)	
A32(19)	B39(16)	B65(14)		DR16(2)	
A33(19)	B3901	B67		DR17(3)	
A34(10)	B3902	B70		DR18(3)	
A36	B40	B71(70)			
A43	B4005	B72(70)		DR51	
A66(10)	B41	B73		DR52	
A68(28)	B42	B75(15)		DR53	
A69(28)	B44(12)	B76(15)			
A74(19)	B45(12)	B77(15)			
A80	B46	B78			
	B47	B81			
	B48	B82			
		Bw4			
		Bw6			

現在のHLA抗原
の種類

日本人では報告がない抗原

検出できない抗原: