血清型ファイルのインポート方法



- ダウンロードした血清型ファイルを保存します
 - 保存先はcatalogフォルダを推奨しております
 (PC>Windows(C:)>OLI FUSION>data>catalog)
- ファイルをダウンロード後、Fusionにインストールをします
- Fusionソフトを立ち上げ、 Utilities>Update Reference>Update Reference File の順にクリックします



血清型ファイルのインポート方法







•「OK」をクリックして、インポート作業は完了です



カタログファイルのファイル名





カタログファイルのインポート



1Utilities \rightarrow Update Reference \rightarrow Update Reference File



②Catalog→該当ファイルを選択→Import Catalog





日本人フィルタ

• 日本人アレルフィルタ

(ver XX _ 201X Japanese_allelefilter.csv)

- 日本組織適合性学会より発表されております最新の HLA 推定アレルー覧表(JSHI)を元に作成しており、 HLA Fusionに適用することでタイピング結果が下記 のように表示されます。
- G1:対立遺伝子の両方が最新のHLA 推定アレルー 覧表(JSHI)に含まれる
- G2:対立遺伝子の片方が最新のHLA 推定アレルー 覧表(JSHI)に含まれる
- G3:対立遺伝子の両方とも最新のHLA 推定アレルー 覧表(JSHI)に含まれない

日本人フィルタのインポート方法



- ダウンロードした日本人フィルタを保存します
 保存先はcatalogフォルダを推奨しております
 (PC>Windows(C:)>OLI FUSION>data>catalog)
- ファイルをダウンロード後、Fusionにインストールをします
- Fusionソフトを立ち上げ、 Utilities>Update Reference>Demographic/Allele Frequency の順にクリックします

| Analyza - Rona Dat Samu Patient - Proj Utilities of Evi | | | | | | | | | |
|---|--------|------------|------|-----------------------------------|--------------------------------|--|--|--|--|
| |] 🔲 🕻 | 🔪 🔝 📲 | | Update Reference > | Update Reference File | | | | |
| HLA Fusion [™] H | | | Hou | Catalog Template Association | Catalog Information/Management | | | | |
| | | | | Molecular Product Configuration > | Demographic/Allele Frequency | | | | |
| Product | atalog | Last | # of | | CREC Information Management | | | | |
| LABType | 11 | 2020/05/25 | 1 | Antibody Product Configuration > | | | | | |
| | | 2020/00/11 | | General Settings | Epitope Information Management | | | | |

日本人フィルタのインポート方法







日本人フィルタのインポート方法



- 取り込んだフィルタにチェックが入っている確認
 します
- ・ 確認後、Save>Closeの順にクリックします

| i Demographic/Allele Frequency | | | | | | | |
|--|--|--|--|--|--|--|--|
| HLA Fusion [™] | | | | | | | |
| Create and Update Demographic/Allele Fred Create Demographic Group ite Alleles an Demographic Frequency File : ^{FUSION/data/catale} | uency d Frequer Delimit | | | | | | |
| Seli Name ver1_Japanese_2020_Jan_GF2020JSHI | Allele/Sero :_2020_J; A*01:01 0.439 A*01:0 0.439 A*01:0 0.439 A*01:0 A*01:0 A*01:0 A*01:0 A*01:0 A*01:0 | Expand a allele frequenc | | | | | |
| Activ Name CWD_TDX_3.37.0 CWD_TDX_3.37.0 Very Japanese 2020 Jan GF2020JSHI | Rare Comments Allele: | Allele/Sero Frequer A*01:01 1 A*01:01:01 1 A*01:01:01:01 1 | | | | | |
| | | A*01:01:01:01 A*01:01:01:03 A*01:01:01:04 A*01:01:01:05 A*01:01:01:06 A*01:01:01:07 A*01:01:01:08 | | | | | |
| New Dunlicate |)elete | Export Save Close | | | | | |

日本人フィルタの設定方法



 Utilities>Molecular Product Configuration> Molecular Analysis Configuration
 の順にクリックします



日本人フィルタの設定方法



| (LABType) | (マイクロ SSP) ↔ |
|--|---|
| ① LABTypeを選択します | ① マイクロSSPを選択します |
| LABType Analysis Configuration HLA Fusion Product Type: LABType Code @ O Group @ Group @ Group @ No Code Cross Code P Group @ Group @ Group @ No Code Cross Code Enable Cross Code (A.B.C. DRB1.DRB345.DQ) @ Enable Cross Code (DP) Demographic Ver 1_2020_Jan_allelefilter Number of False Possible Allele Code @ G I @ G 2 G 3 Batch Analysis of Samples with Low Posit Enable Cross Code (A.B.C. DrB1.DRB345.DQ) Enable Cross Code (DP) Demographic Ver 1_2020_Jan_allelefilter Number of False Image: Control * 1 Min Positive Control * : 1000 G 2 G 3 Min Bead Court * : 1000 G G D Control * : 1000 Min Bead Court * : 1000 G G D Control * : 1000 G D Control * : 3 Display Popup message for Low Bead Count and Low Pote Allow Auto Accept All 3 Save Sciose Coll | MicroSSP Analysis Configuration Image: Configuration |
| Exclude Exon 3 Probes for DO/DP Analysis Global Bead Adjustment (Impact All Samples) Include Generic Test Comments (Exon 4-7) • Required Field Reset to OLI Save Close | Required Field Reset to OLI Save Close ONE LAMBDA |
| -0929 Rev.01 | 5 |